

Analyse de la variance à un facteur

Frédéric Bertrand¹ & Myriam Maumy¹

¹IRMA, Université de Strasbourg
Strasbourg, France

Master 1^{re} Année 09-02-2011

Exemple : D'après le livre de Georges Parreins.

On veut tester 4 types de carburateurs. Pour chaque type, on dispose de 6 pièces que l'on monte successivement en parallèle sur 4 voitures que l'on suppose avoir des caractéristiques parfaitement identiques. Le tableau indique pour chaque essai la valeur d'un paramètre lié à la consommation :

Essai/Carburateur	A ₁	A ₂	A ₃	A ₄
1	21	23	18	20
2	24	23	19	21
3	25	32	28	25
4	20	23	19	15
5	34	32	24	29
6	17	15	14	9

Objectif

Dans ce chapitre, nous allons étudier un test statistique (nous renvoyons à un cours sur les tests pour toutes les définitions sur ce sujet) permettant de comparer les moyennes de plusieurs variables aléatoires indépendantes gaussiennes de même variance.

L'analyse de la variance est l'une des procédures les plus utilisées dans les applications de la statistique ainsi que dans les méthodes d'analyse de données.

Remarque

Cette écriture du tableau est dite « désempilée ». Nous pouvons l'écrire sous forme standard (« empilée »), c'est-à-dire avec deux colonnes, une pour le carburateur et une pour la consommation, et vingt-quatre lignes, une pour chaque essai observé.

Tableau empilé de l'exemple des carburateurs

Essai	Carburateur	Consommation
1	Carburateur 1	21
2	Carburateur 1	24
3	Carburateur 1	25
4	Carburateur 1	20
5	Carburateur 1	34
6	Carburateur 1	17
7	Carburateur 2	23
8	Carburateur 2	23
9	Carburateur 2	32
10	Carburateur 2	23
11	Carburateur 2	32
12	Carburateur 2	15

Remarque

Dans la plupart des logiciels, c'est sous cette forme que sont saisies et traitées les données. Dans les deux tableaux, nous avons omis les unités de la consommation et ceci pour abrégé l'écriture. Mais en principe cela doit être indiqué entre parenthèses à côté de la consommation.

Remarque

Il va de soi que lorsque vous rentrerez des données sous un logiciel, vous n'indiquerez pas le mot « Carburateur » à côté des nombres (1, 2, 3, 4). Il est juste là pour vous faciliter la compréhension du tableau.

Suite du tableau précédent

Essai	Carburateur	Consommation
13	Carburateur 3	18
14	Carburateur 3	19
15	Carburateur 3	28
16	Carburateur 3	19
17	Carburateur 3	24
18	Carburateur 3	14
19	Carburateur 4	20
20	Carburateur 4	21
21	Carburateur 4	25
22	Carburateur 4	15
23	Carburateur 4	29
24	Carburateur 4	9

Définitions

Sur **chaque essai**, nous observons **deux variables**.

1. Le carburateur. Il est totalement contrôlé. La variable « Carburateur » est considérée comme qualitative avec quatre modalités bien déterminées. Nous l'appelons le **facteur (factor)**. Ici le facteur « Carburateur » est à **effets fixes (fixed effects)**.
2. La consommation. C'est une mesure. La variable « Consommation » est considérée comme quantitative. Nous l'appelons la **réponse (response)**.

Notations

La variable mesurée dans un tel schéma expérimental sera notée Y .

Pour les observations nous utilisons deux indices :

- le premier indice indique le numéro du groupe dans la population (« Carburateur »),
- le second indice indique le numéro de l'observation dans l'échantillon (« Essai »).

Pour le premier indice, nous utilisons i (ou encore i' , i'' , i_1 , i_2).
Pour le second indice, nous utilisons j (ou encore j' , j'' , j_1 , j_2).

Notation

Ainsi les observations sont en général notées par :

$$y_{ij}, \quad i = 1, \dots, I \quad j = 1, \dots, J(i).$$

Définition

Lorsque *les échantillons sont de même taille, à savoir $J(i) = J$ et ce quelque soit i* , nous disons que l'expérience est **équilibrée**.

Remarque

Si *les tailles des échantillons sont différentes*, alors elles sont notées par :

$$n_i, \quad \text{où } i = 1, \dots, I.$$

Mais ce plan expérimental est à éviter parce que les différences qu'il est alors possible de détecter sont supérieures à celles du schéma équilibré.

Définitions

En se plaçant dans le **cas équilibré** nous notons les **moyennes (means)** de chaque échantillon par :

$$\bar{y}_i = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^J y_{ij}, \quad i = 1, \dots, I,$$

et les **variances (variances)** de chaque échantillon par :

$$s_i^2(y) = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^J (y_{ij} - \bar{y}_i)^2, \quad i = 1, \dots, I.$$

Remarque

Cette dernière formule exprime la variance non corrigée. Très souvent, dans les ouvrages ou les logiciels, c'est la variance corrigée qui est utilisée : au lieu d'être divisée par J , la somme est divisée par $J - 1$.

Retour à l'exemple

Après calculs avec le logiciel R, nous avons :

$$\bar{Y}_1 = 23,50000 \quad \bar{Y}_2 = 24,66667 \\ \bar{Y}_3 = 20,33333 \quad \bar{Y}_4 = 19,83333$$

et

$$s_{1,c}(Y) = 5,890671 \quad s_{2,c}(Y) = 6,470446 \\ s_{3,c}(Y) = 4,926121 \quad s_{4,c}(Y) = 7,111024.$$

Le nombre total d'observations est égal à :

$$n = IJ = 4 \times 6 = 24.$$

Conditions fondamentales de l'ANOVA

Les résidus $\{\hat{\varepsilon}_{ij}\}$ sont associés, sans en être des réalisations, aux variables erreurs $\{\varepsilon_{ij}\}$ qui sont inobservables et satisfont aux 3 conditions suivantes :

1. Elles sont **indépendantes (independent)**.
2. Elles ont **même variance σ^2** inconnue. C'est la condition d'**homogénéité (homogeneity)** ou d'**homoscédasticité (homoscedasticity)**.
3. Elles sont de **loi gaussienne (normal distribution)**.

Remarque

Par conséquent ces trois conditions se transfèrent sur les variables aléatoires $\{Y_{ij}\}$.

Nous pouvons donc écrire le modèle :

$$\mathcal{L}(Y_{ij}) = \mathcal{N}(\mu_i; \sigma^2), \quad i = 1, \dots, I, \quad j = 1, \dots, J.$$

Ainsi nous constatons que, si les lois $\mathcal{L}(Y_{ij})$ sont différentes, elles ne peuvent différer que par leur moyenne théorique. Il y a donc un simple décalage entre elles.

Remarque

Parfois, le modèle statistique est écrit de la façon suivante :

$$Y_{ij} = \mu + \alpha_i + \varepsilon_{ij}$$

où $\sum_{i=1}^I \alpha_i = 0$ et $\mathcal{L}(\varepsilon_{ij}) = \mathcal{N}(0; \sigma^2)$, $i = 1, \dots, I$, $j = 1, \dots, J$.

Nous avons donc la correspondance suivante :

$$\mu_i = \mu + \alpha_i \quad i = 1, \dots, I.$$

Les deux modèles sont donc statistiquement équivalents.

Mise en place du test de comparaison des moyennes

Nous nous proposons de tester l'hypothèse nulle

$$(\mathcal{H}_0) : \mu_1 = \mu_2 = \dots = \mu_I$$

contre l'hypothèse alternative

(\mathcal{H}_1) : Les moyennes μ_i ne sont pas toutes égales.

La méthode statistique qui permet d'effectuer ce test est appelée l'**analyse de la variance à un facteur (one way analysis of variance)**.

Le test est fondé sur deux propriétés des moyennes et des variances.

Première propriété

La moyenne de toutes les observations est la moyenne des moyennes de chaque échantillon. Ceci s'écrit :

$$\bar{Y} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J y_{ij} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J y_{ij} = \frac{1}{I} \sum_{i=1}^I \bar{y}_i.$$

Retour à l'exemple

Pour cet exemple, nous constatons cette propriété. En effet, nous avons avec le logiciel R :

$$\begin{aligned} \bar{y} &= \frac{1}{24} \times 530 \\ &= \frac{1}{4} (23, 50 + 24, 66667 + 20, 33333 + 19, 83333) \\ &= \frac{1}{4} \times 88, 33333 \\ &= 22, 08333, \end{aligned}$$

puisque $n = 24 = I \times J = 4 \times 6$.

Retour à l'exemple

Avec le logiciel R, nous avons d'une part

$$SC_{Tot} = 857,8333$$

et d'autre part

$$SC_F = 100,8333 \quad \text{et} \quad SC_R = 757,0000.$$

Donc lorsque nous faisons la somme des deux derniers résultats nous retrouvons bien la valeur du premier résultat. Donc la relation (2) est bien vérifiée.

Définition

Nous appelons **variation totale (total variation)** le terme :

$$SC_{Tot} = \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J (y_{ij} - \bar{y})^2.$$

Elle indique la dispersion des données autour de la moyenne générale.

Définition

Nous appelons **variation due au facteur (variation between)** le terme :

$$SC_F = J \sum_{i=1}^I (\bar{y}_i - \bar{y})^2.$$

Elle indique la dispersion des moyennes autour de la moyenne générale.

Définition

Nous appelons **variation résiduelle (variation within)** le terme :

$$SC_R = \sum_{i=1}^I \left(\sum_{j=1}^J (y_{ij} - \bar{y}_i)^2 \right).$$

Elle indique la dispersion des données à l'intérieur de chaque échantillon autour de sa moyenne.

Principe du test :

Si l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie alors la quantité SC_F doit être petite par rapport à la quantité SC_R .

Par contre, si l'hypothèse alternative (\mathcal{H}_1) est vraie alors la quantité SC_F doit être grande par rapport à la quantité SC_R .

Pour comparer ces quantités, R. A. Fisher, après les avoir « corrigées » par leurs degrés de liberté (*ddl*), a considéré leur rapport.

Définition

Nous appelons **variance due au facteur** le terme

$$s_F^2 = \frac{SC_F}{l-1}$$

et **variance résiduelle** le terme

$$s_R^2 = \frac{SC_R}{n-l}$$

Propriété

Si les **trois conditions** sont satisfaites et si l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie alors

$$F_{obs} = \frac{s_F^2}{s_R^2}$$

est une réalisation d'une variable aléatoire F qui suit une loi de Fisher à $l-1$ degrés de liberté au numérateur et $n-l$ degrés de liberté au dénominateur. Cette loi est notée $\mathcal{F}_{l-1, n-l}$.

Décision

Pour un seuil donné α ($=5\%=0,05$ en général), les tables de Fisher nous fournissent une valeur critique c telle que

$\mathbb{P}_{(\mathcal{H}_0)} [F \leq c] = 1 - \alpha$. Alors nous décidons :

$$\begin{cases} \text{si } F_{obs} < c & (\mathcal{H}_0) \text{ est vraie,} \\ \text{si } c \leq F_{obs} & (\mathcal{H}_1) \text{ est vraie.} \end{cases}$$

Tableau de l'ANOVA

L'ensemble de la procédure est résumé par un tableau, appelé **tableau de l'analyse de la variance (analysis of variance table)**, du type suivant :

Variation	SC	ddl	s^2	F_{obs}	F_c
Due au facteur	SC_F	$l - 1$	s_F^2	$\frac{s_F^2}{s_R^2}$	c
Résiduelle	SC_R	$n - l$	s_R^2		
Totale	SC_{Tot}	$n - 1$			

Retour à l'exemple

Pour les données de l'exemple des carburateurs, le tableau de l'analyse de la variance s'écrit :

Variation	SC	ddl	s^2	F_{obs}	F_c
Due au facteur	100,83	3	33,61	0,888	3,10
Résiduelle	757,00	20	37,85		
Totale	857,83	23			

Conclusion

Pour un seuil $\alpha = 5\%$, les tables de Fisher nous fournissent la valeur critique $c = 3, 10$. Nous décidons donc que l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie : il n'y a donc pas de différence entre les moyennes théoriques de consommation selon le type de carburateur. **Nous en concluons que la consommation est stable selon le type de carburateur.**

Remarque

Nous avons décidé que les moyennes théoriques ne sont pas différentes dans leur ensemble, mais nous aurions très bien pu trouver le contraire. Nous analyserons ce cas par la suite avec un des tests de comparaisons multiples (cf paragraphe 4).

Vérification des trois conditions

Nous étudions les possibilités d'évaluer la validité des **trois conditions** que nous avons supposées satisfaites.

Condition d'indépendance

Il n'existe pas, dans un contexte général, de test statistique simple permettant d'étudier l'indépendance.

Ce sont les conditions de l'expérience qui nous permettront d'affirmer que nous sommes dans le cas de l'indépendance.

Remarque

Remarquons que si les conditions sont satisfaites et si nous notons :

$$\mathcal{E}_{ij} = Y_{ij} - \mu_i,$$

alors

$$\mathcal{L}(\mathcal{E}_{ij}) = \mathcal{N}(0 ; \sigma^2),$$

alors c'est la même loi pour l'ensemble des unités.

Les moyennes μ_i étant inconnues, nous les estimons par les estimateurs de la moyenne : les \bar{Y}_i où ils sont définis par

$$\bar{Y}_i = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^J Y_{ij}.$$

Condition de normalité

Nous ne pouvons pas, en général, la tester pour chaque échantillon. En effet le nombre d'observations est souvent très limité pour chaque échantillon.

Nous allons donc la tester sur l'ensemble des données.

Suite de la remarque

Nous obtenons alors les estimations \bar{y}_i . Les quantités obtenues s'appellent les **résidus (residuals)** et sont notées $\hat{\epsilon}_{ij}$. Les résidus s'expriment par :

$$\hat{\epsilon}_{ij} = Y_{ij} - \bar{Y}_i, \quad i = 1, \dots, I, \quad j = 1, \dots, J.$$

Les résidus peuvent s'interpréter comme des estimations des erreurs de mesures.

Tests utilisés pour tester la normalité

Nous pouvons alors tester la normalité, avec le **test de Shapiro-Wilk** ou avec le **test de Shapiro-Francia** sur l'ensemble des résidus.

Hypothèses

Nous notons $\hat{\varepsilon}_{ij}$ la variable aléatoire dont le résidu $\hat{\varepsilon}_{ij}$ est la réalisation.

L'hypothèse nulle

$$(\mathcal{H}_0) : \mathcal{L}(\hat{\varepsilon}_{ij}) = \mathcal{N}$$

contre l'hypothèse alternative

$$(\mathcal{H}_+) : \mathcal{L}(\hat{\varepsilon}_{ij}) \neq \mathcal{N}.$$

Décision pour le test de Shapiro-Francia

Pour un seuil donné α ($= 5\%$ en général), les tables de Shapiro-Francia nous fournissent une valeur critique c telle que $\mathbb{P}_{(\mathcal{H}_0)}[R \leq c] = \alpha$. Alors nous décidons :

$$\begin{cases} \text{si } r_{obs} \leq c & (\mathcal{H}_1) \text{ est vraie,} \\ \text{si } c < r_{obs} & (\mathcal{H}_0) \text{ est vraie.} \end{cases}$$

Remarque : Dans le cadre de ce cours, la statistique de Shapiro-Francia ne sera jamais calculée. L'utilisateur connaîtra toujours la valeur r_{obs} .

Retour à l'exemple : le test de Shapiro-Francia

Pour un seuil $\alpha = 5\%$, les tables de Shapiro-Francia (qui sont à télécharger sur le site) nous fournissent, avec $n = 24$, la valeur critique $c = 0,9557$. Mais nous avons $r_{obs} = 0,9868$. Comme $c < r_{obs}$, l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie, c'est-à-dire que **nous décidons que l'hypothèse de normalité est satisfaite.**

Retour à l'exemple : le test de Shapiro-Wilk

Avec le logiciel R, nous avons

```
> shapiro.test(residuals(modele))
Shapiro-Wilk normality test
data: residuals(modele)
W = 0.9654, p-value = 0.5554
```

Comme la p -valeur est supérieure à 0,05, l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie, c'est-à-dire que **nous décidons que l'hypothèse de normalité des résidus est satisfaite.**

Condition d'homogénéité

Plusieurs tests permettent de tester l'égalité de plusieurs variances. Parmi ceux-ci, le test le plus utilisé est le **test de Bartlett** dont le protocole est le suivant :

Hypothèses

L'hypothèse nulle

$$(\mathcal{H}_0) : \sigma_1^2 = \sigma_2^2 = \dots = \sigma_l^2$$

contre l'hypothèse alternative

$$(\mathcal{H}_1) : \text{Les variances } \sigma_i^2 \text{ ne sont pas toutes égales.}$$

Statistique

$$B_{obs} = \frac{1}{C_1} \left[(n-l) \ln(s_R^2) - \sum_{i=1}^l (n_i - 1) \ln(s_{c,i}^2) \right] \quad (3)$$

où

- la quantité C_1 est définie par :

$$C_1 = 1 + \frac{1}{3(l-1)} \left(\sum_{i=1}^l \frac{1}{n_i - 1} \right) - \frac{1}{n-l},$$
- s_R^2 la variance résiduelle, $s_{c,i}^2$ la variance corrigée des observations de l'échantillon d'ordre i , ($i = 1, \dots, l$).

Propriété

Sous l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) le nombre B_{obs} défini par (3) est la réalisation d'une variable aléatoire B qui suit asymptotiquement une loi du khi-deux à $I - 1$ degrés de liberté.

En pratique, nous pouvons l'appliquer lorsque les effectifs n_i des I échantillons sont tous au moins égaux à 3. Ce test dépend de la normalité des résidus.

Décision

Pour un seuil donné α ($= 5\%$ en général), les tables du khi-deux nous fournissent une valeur critique c telle que $\mathbb{P}_{(\mathcal{H}_0)}[B \leq c] = 1 - \alpha$. Alors nous décidons :

$$\begin{cases} \text{si } c \leq B_{obs} & (\mathcal{H}_1) \text{ est vraie,} \\ \text{si } B_{obs} < c & (\mathcal{H}_0) \text{ est vraie.} \end{cases}$$

Retour à l'exemple

En se souvenant que **les n_i sont tous égaux**, nous avons, avec le logiciel R :

$$B_{obs} = 0,6503.$$

Pour un seuil $\alpha = 5\%$ la valeur critique d'un khi-deux à 3 degrés de liberté, est $c = 7,815$.

Comme $B_{obs} < c$, nous décidons que l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie, c'est-à-dire que l'hypothèse d'homogénéité des variances est vérifiée.

Objectif

Lorsque pour la comparaison des moyennes théoriques la décision est « l'hypothèse alternative (\mathcal{H}_1) est vraie », pour analyser les différences nous procédons à des tests qui vont répondre à la question suivante :

- D'où vient la différence ?
- Quelles moyennes sont différentes ?

Ces tests qui vont répondre à cette question sont les tests de comparaisons multiples, des adaptations du test de Student.

Comparaison a priori et a posteriori

Les méthodes de comparaison de moyennes à utiliser sont classées en comparaison *a priori* et *a posteriori*

- *A priori*
Avant de faire l'expérience, l'expérimentateur connaît la liste des hypothèses qu'il veut tester.
Exemple : montrer que les deux premiers carburateurs sont différents des deux autres.
Méthodes :
 - Méthode de Bonferroni,
 - Méthode des contrastes linéaires.

Comparaison a priori et a posteriori

- *A posteriori*
Après l'expérience, l'expérimentateur regarde les résultats et oriente ses tests en fonction de ce qu'il observe dans les données.
Exemple : prendre la plus grande et la plus petite moyenne et tester si elles sont vraiment différentes.
Méthodes :
 - Méthode basée sur la statistique de rang studentisée,
 - Méthode de Newman Keuls,
 - Méthode de Tukey HSD

Correction de Bonferroni

Idée

- Se fixer la liste des c comparaisons à faire et un taux global d'erreur de type I : α .
- Faire chaque comparaison à un seuil $\alpha' = \alpha/c$.

Bonferroni a montré que cette procédure garantit un taux d'erreur global plus faible que α .

k	c	α	α'	P
2	1	0,05	0,0500	0,0500
4	6	0,05	0,0083	0,0490
6	15	0,05	0,0033	0,0489
8	28	0,05	0,0018	0,0488

Test de Bonferroni

Objectif : Comparer deux à deux toutes les moyennes possibles des l groupes

- 1 Calculer le nombre de comparaisons : $n_c = (l \times (l - 1))/2$
- 2 Erreur de type I globale : $\alpha = 5\% = 0,05$
- 3 Erreur pour chaque test : $\alpha' = 0,05/n_c$
- 4 Hypothèses : $(\mathcal{H}_0) : \mu_i = \mu_j$ contre $(\mathcal{H}_1) : \mu_i \neq \mu_j$
- 5 Statistique de test : $t_{obs} = \frac{\bar{y}_i - \bar{y}_j}{\sqrt{s_R^2 \left(\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j} \right)}}$
- 6 Règle de décision : Accepter (\mathcal{H}_0) si $|t_{obs}| < t_{n-l;1-(\alpha'/2)}$

Retour à l'exemple

- Objectif :** Comparer le carburateur 1 et le carburateur 4.
- 1 Nombre de comparaisons : $n_c = (4 \times 3)/2 = 6$
 - 2 Erreur de type I globale : $\alpha = 5\% = 0,05$
 - 3 Erreur pour ce test : $\alpha' = 0,05/6 \simeq 0,00833$
 - 4 Hypothèses : $(\mathcal{H}_0) : \mu_1 = \mu_4$ contre $(\mathcal{H}_1) : \mu_1 \neq \mu_4$
 - 5 Calcul de la statistique du test : $t_{obs} = \frac{-3,667}{3,552} = -1,032$
 - 6 Décision : $|-1,032| < 2,92712$. Nous décidons de ne pas refuser l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) .

Contrastes linéaires

- **Objectif :** tester si un groupe de carburateurs est différent d'un autre.
- **Combinaison linéaire des moyennes :**
 $a_1\mu_1 + a_2\mu_2 + a_3\mu_3 + \dots + a_I\mu_I$.
- **Contraste linéaire :**
combinaison linéaire telle que $a_1 + a_2 + a_3 + \dots + a_I = 0$
- **Exemples :**
 - 1 $\mu_1 - \mu_3$
 - 2 $\mu_1 + \mu_2 - \mu_3 - \mu_4$
- Un contraste linéaire permet de tester une hypothèse du type : Les carburateurs 1 et 2 sont-ils différents des carburateurs 3 et 4 ?

Test t sur un contraste linéaire

- Soit un contraste linéaire $L = a_1\mu_1 + a_2\mu_2 + a_3\mu_3 + \dots + a_I\mu_I$
- 1 L'hypothèse nulle :
 $(\mathcal{H}_0) : L = a_1\mu_1 + a_2\mu_2 + a_3\mu_3 + \dots + a_I\mu_I = 0$
contre l'hypothèse alternative
 $(\mathcal{H}_1) : L \neq 0$
 - 2 Statistique de test : $L_{obs} = a_1\bar{Y}_1 + a_2\bar{Y}_2 + a_3\bar{Y}_3 + \dots + a_I\bar{Y}_I$
 $t_{obs} = \frac{L_{obs}}{s_{L_{obs}}} = \frac{L_{obs}}{\sqrt{s_R^2 \left(\sum_{i=1}^I \frac{a_i^2}{n_i} \right)}}$ $\sim t_{n-I}$ sous (\mathcal{H}_0)
 - 3 Règle de décision : Accepter (\mathcal{H}_0) si $|t_{obs}| < t_{n-I, 1-(\alpha/2)}$

Statistique de rang studentisée

- Adaptation du test t pour comparer 2 moyennes a posteriori (n_i supposés égaux)
- 1 Ordonner les carburateurs en fonction des moyennes observées :
 $\bar{Y}_{(1)} \leq \bar{Y}_{(2)} \leq \bar{Y}_{(3)} \leq \dots \leq \bar{Y}_{(I)}$
 - 2 Puis appliquer la procédure du test qui va suivre

Test basé sur la statistique de rang studentisée

Objectif : Comparer le carburateur i au carburateur j , où $i < j$

- 1 L'hypothèse nulle : $(\mathcal{H}_0) : \mu_i = \mu_j$
contre l'hypothèse alternative : $(\mathcal{H}_1) : \mu_i < \mu_j$
- 2 Statistique du test : $q_{r,obs} = \frac{\bar{Y}_{(i)} - \bar{Y}_{(j)}}{\sqrt{\frac{S_R^2}{J}}}$ avec $r = j - i + 1$
- 3 Règle de décision : Accepter (\mathcal{H}_0) si $q_{r,obs} < q_{r,n-l}$.
Le seuil critique dépend du nombre de traitements entre i et j et du type d'approche. Dans le cours ici, l'approche sera soit celle de Newman Keuls ou soit celle de Tukey.

Notion de « plus petite différence significative »

- Si nous désirons comparer par une statistique de rang studentisée deux moyennes μ_i et μ_j , nous calculerons la quantité suivante : $q_{r,obs} = \frac{\bar{Y}_{(i)} - \bar{Y}_{(j)}}{\sqrt{\frac{S_R^2}{n}}}$ avec $r = j - i + 1$
- Quelle est la plus petite valeur de $\bar{Y}_{(j)} - \bar{Y}_{(i)}$ à partir de laquelle le test sera rejeté ?
- Réponse : La plus petite valeur de la différence entre les moyennes, à partir de laquelle le test sera rejeté, est égale à : $\bar{Y}_{(j)} - \bar{Y}_{(i)} \geq \sqrt{\frac{S_R^2}{n}} \times q_{r,n-l} = W_r$

Test de Newman Keuls

Objectif : Classer les traitements par groupes qui sont significativement différents. La méthode est la suivante :

- **Étape 1** : Ordonner les moyennes et calculer toutes les différences deux à deux entre moyennes.
- **Étape 2** : Calculer pour $r = 2$ à l les différences minimum significatives W_r
- **Étape 3** : Dans le tableau des différences, rechercher toutes les différences significatives en fonction de leur « distance » r
- **Étape 4** : Classer les traitements par groupes significativement différents.

Test de Tukey

- **But** : Comme pour le test de Newman Keuls, classer les traitements par groupes qui sont significativement différents.
- **Méthode** : Elle est identique à celle du test de Newman-Keuls mais nous prendrons comme différence minimum significative W_k pour toutes les différences. W_k est ici alors noté « HSD » (Honestly Significant Difference)
- **Comparaison des deux méthodes** : La méthode de Tukey trouvera moins de différences significatives que la méthode de Newman Keuls (erreur de type I globale plus faible mais moins de puissance que Newman Keuls)

Contexte du test de Tukey

Les moyennes observées \bar{y}_i sont rangées par ordre croissant.
Nous rappelons que nous les notons

$$\bar{Y}_{(1)}, \bar{Y}_{(2)}, \dots, \bar{Y}_{(l)},$$

et les moyennes théoriques associées

$$\mu_{(1)}, \mu_{(2)}, \dots, \mu_{(l)}.$$

Test

La procédure du test de Tukey est la suivante :

Pour chaque $i < i'$, nous considérons l'**hypothèse nulle**

$$(\mathcal{H}_0) : \mu_{(i)} = \mu_{(i')}$$

contre l'**hypothèse alternative**

$$(\mathcal{H}_1) : \mu_{(i')} > \mu_{(i)}.$$

Statistique

Nous considérons le rapport :

$$t_{i', i, obs} = \frac{\bar{Y}_{(i')} - \bar{Y}_{(i)}}{\sqrt{\frac{s_R^2}{2} \left(\frac{1}{n_{i'}} + \frac{1}{n_i} \right)}}. \quad (4)$$

Propriété

Le rapport $t_{i', i, obs}$ défini par (4) est la réalisation d'une variable aléatoire T qui, si l'hypothèse nulle (\mathcal{H}_0) est vraie, suit une loi appelée **étendue studentisée (studentized range)** et que nous notons $\tilde{T}_{n-l, l}$.

Décision

Pour un seuil donné α (= 5% en général), les tables de l'étendue studentisée nous fournissent une valeur critique c telle que $\mathbb{P}_{(\mathcal{H}_0)}[T \leq c] = 1 - \alpha$. Alors nous décidons :

$$\begin{cases} \text{si } c \leq t_{i,j,obs} & (\mathcal{H}_1) \text{ est vraie,} \\ \text{si } t_{i,j,obs} < c & (\mathcal{H}_0) \text{ est vraie.} \end{cases}$$

Remarque

La valeur critique c ne dépend que des indices $n - l$, degrés de liberté de la somme des carrés résiduelle, et de l , nombre des moyennes comparées. De plus, les moyennes théoriques, dont les moyennes observées sont comprises entre deux moyennes observées, dont les moyennes théoriques correspondantes sont déclarées égales, sont déclarées égales avec ces dernières.

Le contexte

Des forestiers ont réalisé des plantations d'arbres en trois endroits. Plusieurs années plus tard, ils souhaitent savoir si la hauteur des arbres est identique dans les trois forêts. Chacune des forêts constitue une population. Dans chacune des forêts, nous tirons au sort un échantillon d'arbres, et nous mesurons la hauteur de chaque arbre.

Les données

Forêt 1	Forêt 2	Forêt 3
23, 4	18, 9	22, 5
24, 4	21, 1	22, 9
24, 6	21, 1	23, 7
24, 9	22, 1	24, 0
25, 0	22, 5	24, 0
26, 2	23, 5	24, 5

Le script de R

```
>foret<-rep(1:3,c(6,7,5))
>foret
>hauteur<-c(23.4,24.4,24.6,24.9,25.0,26.2,
18.9,21.1,21.1,22.1,22.5,23.5,24.5,22.5,22.9,
23.7,24.0,24.0)
>hauteur
>foret<-factor(foret)
>arbre<-data.frame(foret,hauteur)
>rm(foret)
>rm(hauteur)
>arbre
>str(arbre)
```

Suite du script

```
>moy<-tapply(arbre$hauteur,arbre$foret,mean)
>moy
>moy.g<-mean(arbre$hauteur)
>moy.g
>ecart<-tapply(arbre$hauteur,arbre$foret,sd)
>ecart
>ecart.g<-sd(arbre$hauteur)
>ecart.g
```

Suite du script

```
>plot(arbre$foret,arbre$hauteur)
>points(1:3,moy,pch="@")
>abline(h=moy.g)
```

Suite du script

```
>modele1<-aov(hauteur~foret,data=arbre)
>modele1
>residus<-residuals(modele1)
>residus
>shapiro.test(residus)
>bartlett.test(residus~foret,data=arbre)
>summary(modele1)
```

Fin du script

```
>options(contrasts=c("contr.sum",  
+ "contr.poly"))  
>modele2<-lm(hauteur~foret, data=arbre)  
>modele2  
>summary(modele2)  
>TukeyHSD(modele1)
```

Les résultats

```
>moy<-tapply(arbre$hauteur, arbre$foret, mean)  
>moy  
1 2 3  
24.75000 21.95714 23.42000  
>moy.g<-mean(arbre$hauteur)  
>moy.g  
[1] 23.29444
```

Les résultats

```
>modele1  
Call:  
aov(formula = hauteur foret, data = arbre)  
Terms:  
foret Residuals  
Sum of Squares 25.30930 26.00014  
Deg. of Freedom 2 15  
Residual standard error: 1.316565  
Estimated effects may be unbalanced
```

Les résultats

```
>shapiro.test(residus)  
Shapiro-Wilk normality test  
data: residus  
W = 0.962, p-value = 0.6399  
>bartlett.test(residus foret, data=arbre)  
Bartlett test of homogeneity of variances  
data: residus by foret  
Bartlett's K-squared = 4.5849, df = 2, p-value  
= 0.1010
```

Les résultats

```
>summary(modele1)
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
foret  2 25.3093 12.6547 7.3007 0.006107
Residuals 15 26.0001 1.7333
```

Les résultats

```
>options(contrasts=c("contr.sum",
+"contr.poly"))
>modele2<-lm(hauteur foret,data=arbre)
>modele2
Call:
lm(formula = hauteur ~ foret, data = arbre)
Coefficients:
(Intercept) foret1 foret2
23.376 1.374 -1.419
```

Les résultats

```
> summary(modele2)
Call:
lm(formula = hauteur foret, data = arbre)
Residuals:
Min 1Q Median 3Q Max
-3.0571 -0.7729 0.1464 0.5707 2.5429
Coefficients:
Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 23.3757 0.3133 74.621 < 2e-16
foret1 1.3743 0.4409 3.117 0.00707
foret2 -1.4186 0.4251 -3.337 0.00450
```

Suite des résultats de sorties sous R

```
Residual standard error: 1.317 on 15 degrees
of freedom
Multiple R-Squared: 0.4933, Adjusted
R-Squared: 0.4257
F-statistic: 7.301 on 2 and 15 DF, p-value:
0.006107
```

Les résultats

```
> TukeyHSD(modele1)
Tukey multiple comparisons of means
95% family-wise confidence level

Fit: aov(formula = hauteur foret, data =
arbre)
$foret
diff lwr upr p adj
2-1 -2.792857 -4.6954236 -0.8902906 0.0045463
3-1 -1.330000 -3.4007541 0.7407541 0.2492545
3-2 1.462857 -0.5395363 3.4652506 0.1735956
```