

Analyse de la variance à deux facteurs

Frédéric Bertrand¹

¹IRMA, Université Louis Pasteur
Strasbourg, France

Master 1^{re} Année 01-10-2008

Contexte

Nous nous proposons d'analyser l'influence du temps et de trois espèces ligneuses d'arbre sur la décomposition de la masse d'une litière constituée de feuilles de Lierre. Pour ce faire, 24 sachets d'une masse identique de feuilles de lierre ont été constitués, sachets permettant une décomposition naturelle. Puis une première série de 8 sachets, choisis au hasard, a été déposée sous un chêne, une deuxième sous un peuplier, et la dernière série sous un frêne. Après 2, 7, 10 et 16 semaines respectivement, deux sachets sont prélevés au hasard sous chaque arbre et la masse résiduelle est déterminée pour chacun d'eux. Cette masse est exprimée en pourcentage de la masse initiale.

Les données

Les valeurs observées sont données dans le tableau suivant :

Semaine	Chêne	Peuplier	Frêne
2	85, 10 87, 60	85, 20 84, 90	84, 30 85, 75
7	75, 90 72, 85	73, 00 75, 70	72, 80 70, 80
10	71, 60 66, 95	74, 15 71, 85	67, 10 64, 95
16	62, 10 64, 30	67, 25 60, 25	58, 75 59, 00

Les données

Sachets	Semaines	Espèces	Masses
1	2	Chêne	85, 10
2	2	Chêne	87, 60
3	2	Peuplier	85, 20
4	2	Peuplier	84, 90
5	2	Frêne	84, 30
6	2	Frêne	85, 75
7	7	Chêne	75, 90
8	7	Chêne	72, 85

Les données

Sachets	Semaines	Espèces	Masses
9	7	Peuplier	73, 00
10	7	Peuplier	75, 70
11	7	Frêne	72, 80
12	7	Frêne	70, 80
13	10	Chêne	71, 60
14	10	Chêne	66, 95
15	10	Peuplier	74, 15
16	10	Peuplier	71, 85

Les données

Sachets	Semaines	Espèces	Masses
17	10	Frêne	67, 10
18	10	Frêne	64, 95
19	16	Chêne	62, 10
20	16	Chêne	64, 30
21	16	Peuplier	67, 25
22	16	Peuplier	60, 25
23	16	Frêne	58, 75
24	16	Frêne	59, 00

Le but

Nous nous proposons d'utiliser l'analyse de la variance à deux facteurs. Nous observons trois variables :

- 1 deux d'entre elles sont des variables contrôlées, l'espèce d'arbre, qualitative à trois modalités, et la semaine qui peut être considérée comme qualitative à quatre modalités.
- 2 La troisième variable est une réponse quantitative.
Donc l'analyse de la variance à deux facteurs (semaine et espèce d'arbre) croisés, avec interaction, peut convenir, entre autres méthodes d'analyse de ces données.

Le contexte

Dans l'étude des effets simultanés d'un facteur à I modalités et d'un facteur à J modalités sur une variable quantitative Y , supposons que Y suive des lois normales, a priori différentes dans les IJ populations disjointes déterminées par la conjonction de deux modalités des facteurs étudiés. Supposons que, dans la population correspondant à la modalité d'ordre i du premier facteur et à la modalité d'ordre j du deuxième facteur, nous ayons :

$$\mathcal{L}(Y) = \mathcal{N}(\mu_{ij}; \sigma^2), \quad \text{pour } i = 1, \dots, I \text{ et } j = 1, \dots, J.$$

L'idée

Pour mettre en évidence les éventuelles différences entre le comportement de la variable Y dans les I modalités du premier facteur, dans les J modalités du deuxième facteur, ou encore dans l'interaction entre les deux facteurs, nous considérons des échantillons indépendants de même taille K de la variable Y dans chacune des IJ populations, soit au total un n -échantillon avec $n = IJK$.

Le modèle statistique

Pour la variable d'ordre k de la population d'indice (i, j) , notée Y_{ijk} , nous posons :

$$Y_{ijk} = \mu + \alpha_i + \beta_j + (\alpha\beta)_{ij} + \mathcal{E}_{ijk},$$

pour tout $i = 1, \dots, I; j = 1, \dots, J; k = 1, \dots, K$, avec, pour éviter une surparamétrisation, les contraintes

$$\sum_{i=1}^I \alpha_i = \sum_{j=1}^J \beta_j = \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J (\alpha\beta)_{ij} = \sum_{j=1}^J (\alpha\beta)_{i0} = 0,$$

pour $i_0 = 1, \dots, I$; et $j_0 = 1, \dots, J$.

Les hypothèses du modèle

Les variables \mathcal{E}_{ijk} sont ainsi supposées suivre une loi normale $\mathcal{N}(0; \sigma^2)$.

Leurs réalisations, notées e_{ijk} , sont considérées comme les erreurs de mesure, elles sont inconnues et vérifient :

$$Y_{ijk} = \mu_{ij} + e_{ijk}, \quad \text{pour } i = 1, \dots, I; j = 1, \dots, J; k = 1, \dots, K.$$

Les trois tests

L'analyse de la variance à deux facteurs avec répétitions permet trois tests de Fisher. Nous testons :

- l'effet du premier facteur F_1 : Nous testons l'égalité des I paramètres α_i correspondant aux I modalités du premier facteur

$$\left\{ \begin{array}{l} \mathcal{H}_0 : \text{les paramètres } \alpha_i \text{ sont tous nuls} \\ \text{contre} \\ \mathcal{H}_1 : \text{les paramètres } \alpha_i \text{ ne sont pas tous nuls.} \end{array} \right.$$

Le deuxième test

Nous testons :

- l'effet du deuxième facteur F_2 . Il consiste à tester l'égalité des J paramètres β_j correspondant aux J modalités du deuxième facteur

$$\left\{ \begin{array}{l} \mathcal{H}_0 : \text{les paramètres } \beta_j \text{ sont tous nuls} \\ \text{contre} \\ \mathcal{H}_1 : \text{les paramètres } \beta_j \text{ ne sont pas tous nuls.} \end{array} \right.$$

Le troisième test

Nous testons :

- l'effet de l'interaction entre les facteurs F_1 et F_2 . Il consiste à comparer

$$\left\{ \begin{array}{l} \mathcal{H}_0 : \text{les } IJ \text{ paramètres } (\alpha\beta)_{ij} \text{ sont tous nuls} \\ \text{contre} \\ \mathcal{H}_1 : \text{les } IJ \text{ paramètres } (\alpha\beta)_{ij} \text{ ne sont pas tous nuls.} \end{array} \right.$$

Notations

Nous posons

$$\begin{aligned} \bar{Y} &= \frac{1}{n} \sum_{i,j,k} Y_{ijk}, & \bar{Y}_{i..} &= \frac{1}{JK} \sum_{j,k} Y_{ijk}, & \bar{Y}_{.j.} &= \frac{1}{IK} \sum_{i,k} Y_{ijk}. \\ \bar{Y}_{ij.} &= \frac{1}{K} \sum_k Y_{ijk}, & \bar{Y}_{i..} &= \frac{1}{JK} \sum_{j,k} Y_{ijk}, & \bar{Y}_{.j.} &= \frac{1}{IK} \sum_{i,k} Y_{ijk}. \end{aligned}$$

Notations

$$SC_T = \sum_{i,j,k} (Y_{ijk} - \bar{Y})^2, \quad SC_R = \sum_{i,j,k} (Y_{ijk} - \bar{Y}_{j\bullet})^2,$$

$$SC_\alpha = \sum_{i,j,k} (\bar{Y}_{i\bullet\bullet} - \bar{Y})^2, \quad SC_\beta = \sum_{i,j,k} (\bar{Y}_{\bullet j\bullet} - \bar{Y})^2,$$

$$SC_{\alpha\beta} = \sum_{i,j,k} (\bar{Y}_{ij\bullet} - \bar{Y}_{i\bullet\bullet} - \bar{Y}_{\bullet j\bullet} + \bar{Y})^2.$$

L'équation de l'anova

L'équation de l'analyse de la variance devient pour ce modèle :

$$SC_T = SC_R + SC_\alpha + SC_\beta + SC_{\alpha\beta}.$$

où

- la somme SC_T , la **somme totale**, mesure la somme des carrés des écarts à la moyenne globale, toutes causes confondues,

L'équation de l'anova - Suite

- la somme SC_R , la **somme résiduelle**, cumule les carrés des écarts des différentes observations à la moyenne de l'échantillon dont elles font partie. Dans la somme totale elle représente la part de la dispersion due aux **fluctuations individuelles**.

Propriété

Sous les différentes hypothèses \mathcal{H}_0 d'égalité des paramètres de la décomposition des μ_{ij} , nous pouvons préciser les lois respectives des variables précédentes. Elles suivent des lois du χ^2 :

$$\mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{1}{\sigma^2} SC_T \right) = \chi^2_{n-1}, \quad \mathcal{L} \left(\frac{1}{\sigma^2} SC_R \right) = \chi^2_{n-I},$$

$$\mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{1}{\sigma^2} SC_\alpha \right) = \chi^2_{I-1}, \quad \mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{1}{\sigma^2} SC_\beta \right) = \chi^2_{J-1},$$

$$\mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{1}{\sigma^2} SC_{\alpha\beta} \right) = \chi^2_{(I-1)(J-1)}.$$

Suite de la propriété

De plus, les variables SC_R et SC_α , SC_R et SC_β , SC_R et $SC_{\alpha\beta}$ sont indépendantes, de sorte que :

$$\mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{SC_\alpha}{I-1} \frac{SC_R}{J(K-1)} \right) = \mathcal{F}_{(I-1), J(K-1)},$$

$$\mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{SC_\beta}{J-1} \frac{SC_R}{J(K-1)} \right) = \mathcal{F}_{(J-1), J(K-1)},$$

Fin de la propriété

$$\mathcal{L}_{\mathcal{H}_0} \left(\frac{SC_{\alpha\beta}}{\frac{(I-1)(J-1)}{SC_R} \frac{SC_R}{J(K-1)}} \right) = \mathcal{F}_{(I-1)(J-1), J(K-1)}.$$

Les tests

Les tests sont réalisés à l'aide des valeurs numériques suivantes :

$$\bar{Y} = \frac{1}{IJK} \sum_{i,j,k} Y_{ijk}, \quad \bar{Y}_{j\bullet\bullet} = \frac{1}{JK} \sum_{j,k} Y_{ijk}, \quad \bar{Y}_{i\bullet\bullet} = \frac{1}{IK} \sum_{i,k} Y_{ijk}.$$

Les tests - Suite

$$\begin{aligned}
 SCT &= \sum_{i,j,k} (y_{ijk} - \bar{y})^2 = \left(\sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J \sum_{k=1}^K y_{ijk}^2 \right) - IJK\bar{y}^2, \\
 SCR &= \sum_{i,j,k} (y_{ijk} - \bar{y}_{ij\bullet})^2 = \left(\sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J \sum_{k=1}^K y_{ijk}^2 \right) - K \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J \bar{y}_{ij\bullet}^2, \\
 SC_{\alpha} &= \sum_{i,j,k} (\bar{y}_{i\bullet\bullet} - \bar{y})^2 = JK \sum_{i=1}^I \bar{y}_{i\bullet\bullet}^2 - IJK\bar{y}^2,
 \end{aligned}$$

Décision

Pour un seuil $\alpha (= 5\% = 0,05$ en général), les tables de la loi de Fisher notée \mathcal{F} nous fournissent pour chacun des trois tests une valeur critique c telle que $\mathbb{P}_{\mathcal{H}_0}(F < c) = 1 - \alpha$. Alors nous décidons :

$$\begin{cases} \mathcal{H}_1 \text{ est vraie si } & c \leq f, \\ \mathcal{H}_0 \text{ est vraie si } & f < c. \end{cases}$$

Les tests - Fin

$$\begin{aligned}
 SC_{\beta} &= \sum_{i,j,k} (\bar{y}_{\bullet j\bullet} - \bar{y})^2 = IK \sum_{j=1}^J \bar{y}_{\bullet j\bullet}^2 - IJK\bar{y}^2, \\
 SC_{\alpha\beta} &= \sum_{i,j,k} (\bar{y}_{ij\bullet} - \bar{y}_{i\bullet\bullet} - \bar{y}_{\bullet j\bullet} + \bar{y})^2 \\
 &= K \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J \bar{y}_{ij\bullet}^2 - JK \sum_{i=1}^I \bar{y}_{i\bullet\bullet}^2 - IK \sum_{j=1}^J \bar{y}_{\bullet j\bullet}^2 + IJK\bar{y}^2.
 \end{aligned}$$

Les résultats des calculs sont généralement présentés sous la forme d'un tableau.

Tableau de l'anova

Source de Variation	Somme des carrés	d.l.	\mathcal{F}
Due à F_α	SC_α	$I - 1$	$f_\alpha = \frac{S_\alpha^2}{S_R^2}$
Due à F_β	SC_β	$J - 1$	$f_\beta = \frac{S_\beta^2}{S_R^2}$
Interaction $F_{\alpha\beta}$	$SC_{\alpha\beta}$	$(I - 1)(J - 1)$	$f_{\alpha\beta} = \frac{S_{\alpha\beta}^2}{S_R^2}$
Résiduelle	SCR	$IJ(K - 1)$	
Totale	SCT	$n - 1$	

Conclusion

- 1 Si nous décidons \mathcal{H}_{11} , il y a effet du premier facteur.
- 2 Si nous décidons \mathcal{H}_{11} , il y a effet du deuxième facteur.
- 3 Si nous décidons \mathcal{H}_{11} , il y a effet de l'interaction entre les deux facteurs. Dans ce cas, pour préciser le type d'interaction mise en évidence par le test, nous pourrions comparer les moyennes \bar{Y}_{ij} , pour les différentes valeurs de i et j .

Exemple

Pour l'exemple précédent, en utilisant R , le tableau de l'analyse de la variance s'écrit :

	Sum Sq	Df	F	P
Semaine	1741.31	3	121.6927	3.004e - 09
Arbre	58.08	2	6.0881	0.01495
Interaction	30.22	6	1.0559	0.43853
Résiduelle	57.24	12		
Totale	1886.84	23		

Conclusion

Graphiquement, nous porterons en abscisse les valeurs de i (les I modalités). Pour chaque valeur de j nous relierons les valeurs de \bar{Y}_{ij} , portées en ordonnées. L'aspect du faisceau des lignes brisées, variant ou non dans le même sens, s'interprétera facilement.

Graphique des interactions

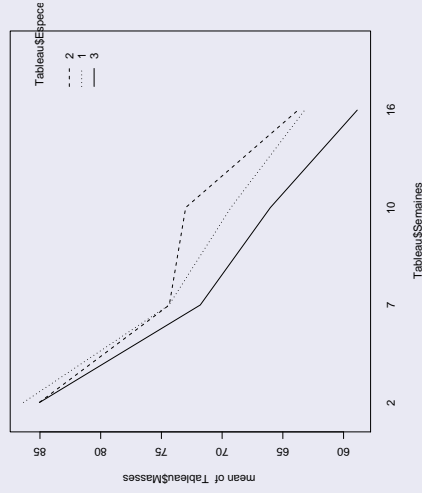


Fig.: Représentation graphique des interactions

Frédéric Bertrand

Exemple
 L'anova à 2 facteurs avec répétitions
La vérification des conditions
 Les comparaisons multiples
 L'anova à 2 facteurs sans répétitions

Graphique des interactions

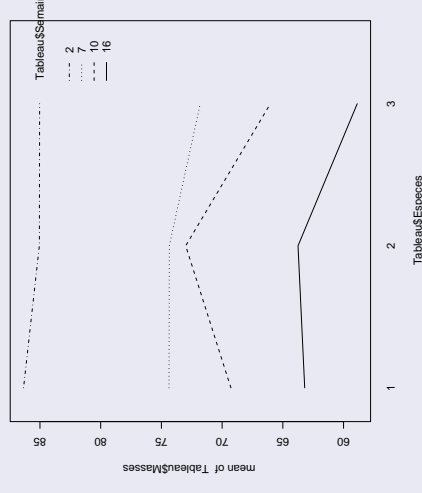


Fig.: Représentation graphique des interactions

Frédéric Bertrand

Exemple
 L'anova à 2 facteurs avec répétitions
La vérification des conditions
 Les comparaisons multiples
 L'anova à 2 facteurs sans répétitions

Vérification des conditions

Pour ce modèle, l'estimation des moyennes théoriques μ_{ij} se fait par les moyennes observées $\bar{Y}_{ij\bullet}$ (« valeurs ajustées »). Les résidus sont alors donnés par l'expression :

$$\hat{\epsilon}_{ijk} = Y_{ijk} - \bar{Y}_{ij\bullet}, \quad i = 1, \dots, I; j = 1, \dots, J; k = 1, \dots, K.$$

Leur normalité et l'homogénéité des variances se vérifient par les mêmes méthodes que pour une analyse de la variance à un facteur.

Vérification des conditions sur l'exemple

- Commençons par tester la normalité des résidus.
`> shapiro.test(residus)`
 Shapiro-Wilk normality test
 data : residus
 $W = 0.9763$, $p\text{-value} = 0.8187$
 « L'hypothèse de normalité des résidus est acceptée ($p=0.8187$) ».

Vérification des conditions sur l'exemple - Suite et fin

- Nous allons maintenant chercher à tester l'homogénéité des variances.
Malheureusement, dans le cas qui nous intéresse, nous ne pouvons pas tester l'homogénéité des populations parce qu'il n'y a que deux observations pour chacune d'elles et la puissance d'un tel test serait très faible. Nous verrons dans le dernier paragraphe, comment nous pouvons parer à cet inconvénient. La solution que nous proposerons n'est pas aussi performante que si nous testions l'homogénéité mais elle sera un bon indicateur pour savoir si cette condition est vérifiée.

Comparaisons multiples

Lorsque l'effet d'un facteur a été mis en évidence, le test de Tukey ou celui de Dunnett s'applique chaque fois que le nombre d'observations le permet, à l'aide de la même statistique. Les effectifs n_j et $n_{j'}$ sont alors ceux des classes comparées.

Comparaisons multiples sur l'exemple

Nous allons réaliser les comparaisons multiples pour le facteur « Semaines » avec R.

```
Semaines  
diff lwr upr p adj  
7-2 -11.966667 -15.71019 -8.2231474 0.0000033  
10-2 -16.041667 -19.78519 -12.2981474  
0.0000001  
16-2 -23.533333 -27.27685 -19.7898141  
0.0000000  
10-7 -4.075000 -7.81852 -0.3314808 0.0316623  
16-7 -11.566667 -15.31019 -7.8231474 0.0000047  
16-10 -7.491667 -11.23519 -3.7481474 0.0003427
```

Comparaisons multiples sur l'exemple

Facteur 1 : Semaine. Nous obtenons les classes d'égalité suivantes :

Modalités du facteur	Moyennes observées	Classes d'égalité
S2	85.47500	A
S7	73.50833	B
S10	69.43333	C
S16	61.94167	D

Comparaisons multiples sur l'exemple

Nous allons réaliser les comparaisons multiples pour le facteur « Espèces » avec R.

```

Especes
diff lwr upr p adj
2-1 0.73750 -2.175756 3.65075565 0.7818482
3-1 -2.86875 -5.782006 0.04450565 0.0537077
3-2 -3.60625 -6.519506 -0.69299435 0.0161088
    
```

L'idée générale

Dans le cas où nous étudions l'effet simultané de deux facteurs à, respectivement, I et J modalités et que nous disposons d'une seule observation pour chaque population, c'est à dire $K = 1$, les résultats du paragraphe précédent ne sont plus valables. Nous devons supposer que l'interaction entre les deux facteurs est nulle. Partant du même modèle, nous écrivons plus simplement :

$$Y_{ij} = \mu + \alpha_i + \beta_j + \varepsilon_{ij}$$

avec les contraintes
$$\sum_{i=1}^I \alpha_i = \sum_{j=1}^J \beta_j = 0.$$

Exemple

Facteur 2 : Arbre. Nous obtenons les classes d'égalité suivantes :

Modalités du facteur	Moyennes observées	Classes d'égalité
Chêne	73.30000	A
Peuplier	74.03750	A
Frêne	70.43125	B

Notations

Nous avons les notations analogues :

$$\bar{y} = \frac{1}{IJ} \sum_{i,j} y_{ij}, \quad \bar{y}_{i\cdot} = \frac{1}{J} \sum_j y_{ij}, \quad \bar{y}_{\cdot j} = \frac{1}{I} \sum_i y_{ij},$$

$$sc_T = \sum_{i,j} (y_{ij} - \bar{y})^2 = \sum_{i,j} y_{ij}^2 - IJ\bar{y}^2,$$

$$sc_R = \sum_{i,j} (y_{ij} - \bar{y}_{i\cdot} - \bar{y}_{\cdot j} + \bar{y})^2,$$

Notations

$$sc_{\alpha} = \sum_{i,j} (\bar{Y}_{i\bullet} - \bar{Y})^2 = J \sum_i \bar{Y}_{i\bullet}^2 - IJ\bar{Y}^2,$$

$$sc_{\beta} = \sum_{i,j} (\bar{Y}_{\bullet j} - \bar{Y})^2 = I \sum_j \bar{Y}_{\bullet j}^2 - IJ\bar{Y}^2.$$

Remarque importante

Remarquons que l'expression définissant, dans le cas avec répétitions, la somme des carrés associée à l'interaction, est associée ici à la somme des carrés de la résiduelle.

Tableau de l'analyse de la variance

Nous avons alors le tableau de l'analyse de la variance suivant :

Source de Variation	Somme des carrés	d.l.	\mathcal{F}
Due à F_{α}	sc_{α}	$I - 1$	$f_{\alpha} = \frac{S_{\alpha}^2}{S_R^2}$
Due à F_{β}	sc_{β}	$J - 1$	$f_{\beta} = \frac{S_{\beta}^2}{S_R^2}$
Résiduelle	sc_R	$(I - 1)(J - 1)$	
Totale	sc_T	$IJ - 1$	

L'idée générale

La démarche est alors analogue à celle de l'analyse de la variance à deux facteurs avec répétitions. Notons que dans ce cas les valeurs ajustées sont données par

$$\widehat{\mu}_{ij} = \bar{Y}_{i\bullet} + \bar{Y}_{\bullet j} - \bar{Y}$$

et les résidus par l'expression :

$$\widehat{\epsilon}_{ij} = Y_{ij} - \bar{Y}_{i\bullet} - \bar{Y}_{\bullet j} + \bar{Y}, \quad i = 1, \dots, I; j = 1, \dots, J.$$

Exemple

L'influence d'un traitement grossissant, à base de vitamines, est étudiée sur des animaux de races différentes. Pour cela nous disposons d'animaux de trois races, notées R_i , pour $i = 1, 2, 3$, et nous avons effectué trois traitements, notés D_j , pour $j = 1, 2, 3$, utilisant respectivement 5, 10 et $15\mu g$ de vitamines B12 par cm^3 . Le gain moyen de poids par jour est mesuré, à l'issue d'un traitement de 50 jours dans chaque cas. Un seul animal est utilisé pour chaque couple « race-traitement ».

Les données

Voici les résultats des mesures :

	R_1	R_2	R_3
D_1	1,26	1,21	1,19
D_2	1,29	1,23	1,23
D_3	1,38	1,27	1,22

L'objectif

Nous nous proposons d'effectuer une analyse de la variance à deux facteurs sans répétitions, il y a en effet une seule observation par « case ». Les facteurs, contrôlés, à effets fixes, sont la race et la dose, tous les deux à 3 modalités. La réponse est le gain moyen de poids.

Les données

Cet ensemble de données doit être saisi, dans un logiciel sous la forme d'un tableau empilé :

Races	Doses	Gains
R_1	D_1	1,26
R_1	D_2	1,29
R_1	D_3	1,38
R_2	D_1	1,21
R_2	D_2	1,23
R_2	D_3	1,27
R_3	D_1	1,19
R_3	D_2	1,23
R_3	D_3	1,22

Les hypothèses

Nous testons les hypothèses :

$\left\{ \begin{array}{l} \mathcal{H}_0^R : \text{les races n'ont pas d'effet,} \\ \text{contre} \\ \mathcal{H}_1^R : \text{les races ont un effet} \end{array} \right.$

et $\left\{ \begin{array}{l} \mathcal{H}_0^D : \text{les doses n'ont pas d'effet,} \\ \text{contre} \\ \mathcal{H}_1^D : \text{les doses ont un effet.} \end{array} \right.$

Le tableau de l'anova

Voici le tableau de l'analyse de la variance construit par R :

	SumSq	Df	MeanSq	F value	Pr(>F)
Races	0.0152667	2	0.0076333	9.7447	0.02900
Doses	0.0074000	2	0.0037000	4.7234	0.08849
Res.	0.0031333	4	0.0007833		

Les résultats

Nous décidons :

- 1 \mathcal{H}_1^R est vraie, il y a un effet de la race ($p = 0.02900$)
- 2 \mathcal{H}_0^D est vraie, il n'y a pas d'effet de la dose sur le gain de poids ($p = 0.08849$).

Vérification des hypothèses

Nous vérifions à présent les conditions d'application de l'analyse de la variance.

- Indépendance des données : Ok !
- Normalité des résidus :

```
> shapiro.test(residus)
Shapiro-Wilk normality test
data : residus
```

$W = 0.9798$, $p\text{-value} = 0.9632$

Nous décidons que l'hypothèse de normalité est vérifiée.
Nous décidons que la normalité de l'erreur théorique est acceptée.

Vérification des hypothèses

Il nous reste plus qu'à vérifier l'égalité des variances des résidus ou encore appelé l'homogénéité des variances. Remarquons tout d'abord que nous ne pouvons pas tester l'égalité des variances : en effet nous n'avons qu'une observation par « case ». Cependant, à titre indicatif, nous pouvons tester : l'égalité des variances des gains selon les races,

$$\begin{cases} \mathcal{H}_0 : & \text{les variances des races sont égales,} \\ \text{contre} & \\ \mathcal{H}_1 : & \text{les variances des races ne sont pas égales.} \end{cases}$$

Vérification des hypothèses

- Le test de Bartlett donne :
> bartlett.test(residus~races, data=exemple2)
Bartlett test of homogeneity of variances
data : residus by races
Bartlett's K-squared = 3.2583, df = 2,
p-value = 0.1961
Nous décidons donc que l'hypothèse d'homogénéité est vérifiée. Nous décidons que les variances théoriques des gains des trois races sont égales.

Vérification des hypothèses

Nous pouvons tester aussi : l'égalité des variances des gains des doses,

$$\begin{cases} \mathcal{H}_0 : & \text{les variances des doses sont égales,} \\ \text{contre} & \\ \mathcal{H}_1 : & \text{les variances des doses ne sont pas égales.} \end{cases}$$

Vérification des hypothèses

- Le test de Bartlett donne :
> bartlett.test(residus~doses, data=exemple2)
Bartlett test of homogeneity of variances
data : residus by doses
Bartlett's K-squared = 1.0819, df = 2,
p-value = 0.5822
Nous décidons donc que l'hypothèse d'homogénéité est vérifiée. Nous décidons que les variances théoriques des gains des trois doses sont égales.

Vérification des hypothèses

Cependant ces deux résultats ne nous garantissent pas l'égalité des 9 variances théoriques mais sont de bons indicateurs pour l'homoscédasticité.

Comparaisons multiples

Comme nous avons décidé que \mathcal{H}_1^R est vraie, il y a un effet de la race, nous allons procéder à des comparaisons multiples pour analyser comment les races sont différentes par rapport au gains de poids.

Pour ce faire nous utilisons le test de Tukey au seuil de $\alpha = 5\% = 0,05$.

Script de R et sorties de R

```
> TukeyHSD(model1)
Tukey multiple comparisons of means
95% family-wise confidence level
Fit : aov(formula = gains ~ races + doses,
data = exemple2)
races
diff lwr upr p adj
2-1 -0.07333333 -0.1547783 0.008111587
0.0686703
3-1 -0.09666667 -0.1781116 -0.015221747
0.0288386
3-2 -0.02333333 -0.1047783 0.058111587
0.6040386
```

Résumé des résultats

Nous pouvons résumer ces résultats par le tableau :

Modalités du facteur	Classes d'égalité
R_1	A
R_2	B
R_3	B

Conclusions

Nous montrons ainsi que la première race est différente des deux autres, dont le gain de poids est similaire.

Comme nous avons décidé \mathcal{H}_0^D est vraie, il n'y a pas d'effet de la dose sur le gain de poids, nous allons calculer le risque β a posteriori.

Pour cela, nous calculons : $\phi = 1,575$. En reportant cette dernière valeur sur le graphique de l'abaque correspondant à $\nu_1 = J - 1 = 2$ et à $\nu_2 = (I - 1)(J - 1) = 4$, nous obtenons $\pi_1 = 0,45$ et $\beta = 0,55$. Ce qui signifie, que le non effet de la dose est associé à un risque de l'ordre de 0,55 ce qui est relativement important.